Моделирование микробных популяций

Галина Юрьевна Ризниченко

119992 Москва ГСП-2, Ленинские горы, Московский государственный университет им. М.В.Ломоносова, Биологический ф-т, каф. Биофизики, к.119

тел (495)9390289; Факс: (495)9391115;

E-mail: riznich@biophys.msu.ru

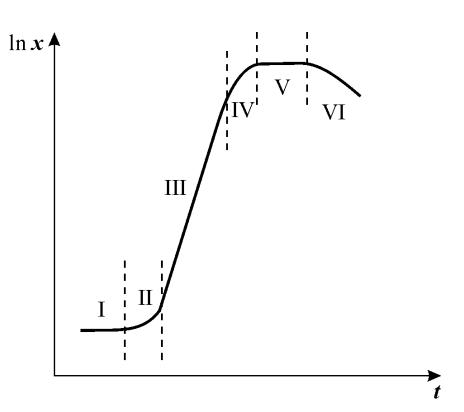
Преимущества микробных культур

Микроорганизмы имеют высокое отношение поверхности к объему и поэтому высокие интенсивности обмена с окружающей средой. С этим связаны:

- высокие скорости размножения микроорганизмов,
- большой прирост биомассы,
- высокая скорость роста микробных популяций
- высокая скорость микроэволюционных процессов в микробных сообществах.

Кривая роста микробной культуры при периодическом культивировании

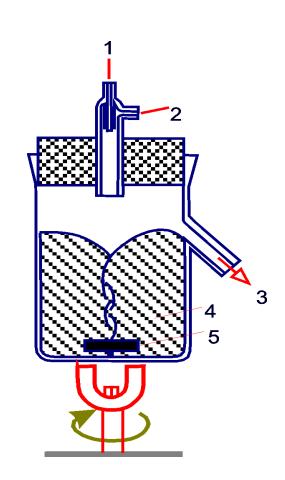
1 – лаг-фаза;
II – фаза ускорения роста;
III – фаза экспоненциального роста;
IV – фаза замедления роста;
V – фаза стационарная;
VI – фаза отмирания культуры



Установка непрерывного культивирования

- 1 регулятор
- 2 поступление субстрата,
- 3 отток (вымывание) смеси субстрата и биомассы,
- 4 культура внутри культиватора,
- 5 мешалка

$$\frac{dx}{dt} = x(\mu - v)$$



Типы культиваторов

- Хемостат поддерживается постоянной скорость протока
- Турбидостат поддерживается оптическая плотность культуры
- Оксистат концентрация кислорода
- pH –стат pH
- И т.д.



Модель Моно (J. Monod "Recherches sur la croissanse des cultures bacteriennes", 1942)

Формула Моно

$$\frac{dx}{dt} = \frac{\mu_m S}{K_S + S} x$$

 μ_{m} -максимальная скорость роста микроорганизмов при данных условиях; K_{S} - константа, численно равная концентрации субстрата, при которой скорость роста культуры равна половине максимальной

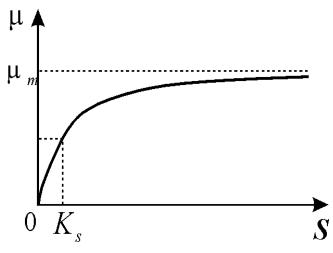


График зависимости скорости роста от концентрации субстрата в соответствии с формулой Моно

Модель Моно роста культуры микроорганизмов

$$\frac{dx}{dt} = \mu(S)x - D(x),$$

$$\frac{dS}{dt} = DS_0 - \alpha \mu(S)x - DS,$$

$$\mu(S) = \frac{\mu_m S}{K_m + S}$$

S - концентрация субстрата; x - концентрация клеток в культиваторе

 S_0 -концентрация субстрата, поступившего в культиватор

D - скорость протока (разбавления) культуры

α-1 - "экономический коэффициент, показывающий,

какая часть поглощенного субстрата идет на приращение биомассы.

Безразмерные уравнения Моно

$$x' = \frac{\alpha x}{K_S}, \quad y' = \frac{S}{K_S}, \quad y_0 = \frac{S_0}{K_S};$$

$$t'=t\mu_m, \quad D'=\frac{D}{\mu_m}$$

(штрихи опущены)

$$\frac{dx}{dt} = \mu(y)x - Dx,$$

$$\frac{dy}{dt} = -\mu(y)x + D(y_0 - y)$$

$$\mu(y) = \frac{y}{1 + y}$$

безразмерная концентрация биомассы

безразмерная концентрация субстрата

Стационарные решения системы Моно (хемостат)

Режим вымывания

$$\overline{X}_1 = 0$$
, $\overline{Y}_1 = Y_0$;

$$\frac{dx}{dt} = \mu(y)x - Dx,$$

$$\frac{dy}{dt} = -\mu(y)x + D(y_0 - y)$$

$$\mu(y) = \frac{y}{1 + y}$$

Рабочий режим
$$\frac{y}{1+y} - D = 0$$

$$\bar{x}_2 = y_0 - \frac{D}{1 - D}, \quad \bar{y}_2 = \frac{D}{1 - D}$$

Скорость вымывания

$$\bar{x}_2 = y_0 - \frac{D}{1 - D} > 0$$

$$y_0 - y_0 D - D > 0$$

$$D(1 + y_0) < y_0$$

$$D < \frac{y_0}{1 + y_0}$$

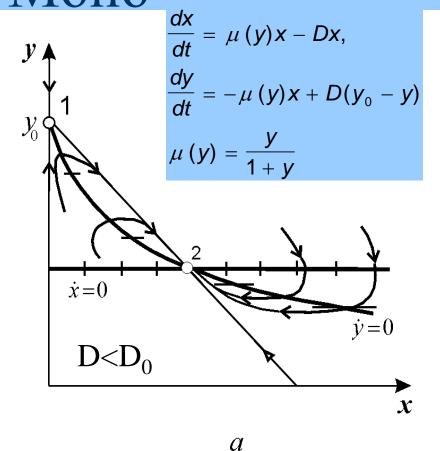
Биомасса – положительная величина

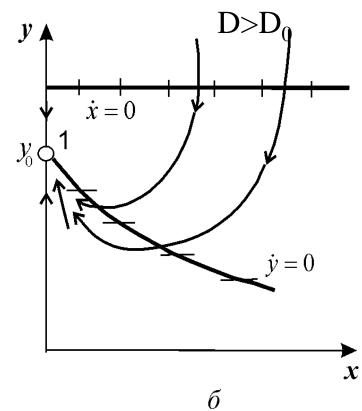
Граничное значение скорости протока называется скоростью вымывания. В безразмерном виде его величина равна:

$$D \le \frac{y_0}{1 + y_0} = D_0 \qquad D_0 = \frac{\mu_m S_0}{K_S + S_0}$$

$$y_0 = \frac{S_0}{K}$$

Фазовые портреты модели Моно





a – стационарный режим работы, δ – режим вымывания.

Ингибирующее действие субстрата и продукта

при больших концентрациях субстрат может оказывать ингибирующее действие,

$$\mu(S) = \frac{\mu_m S}{K_m + S + AS^2}$$

Формула Моно- $\mu(S) = \frac{\mu_m S}{(K_m + S)(K_P + P)}$ Иерусалимского.

В таких системах возможны мультистационарные режимы



- "Экономичные" мутанты, способные более полно использовать субстрат.
- Более "резистентные" мутанты, менее чувствительные к воздействию внешнего фактора.
- Мутанты с пониженными скоростями отмирания.
- Менее "мутабельные" мутанты.
- Быстро растущие и быстро отмирающие мутанты
- Мутанты с увеличенной максимальной скоростью роста
- Мутанты, способные противостоять вымыванию из ферментера: прилипать к стенкам или слипаться в комки и выпадать на дно.

Печуркин Николай Савельевич

русский советский биофизик, специалист в области эволюционной теории, экспериментальной экологии, управляемого микробного синтеза. Профессор Красноярского государственного университета.



Двухвозрастная культура (Наталья Вячеславовна Степанова, Физфак МГУ)

$$\frac{dN_1}{dt} = \frac{2}{T_2} N_2 - \frac{1}{T_1} N_1 - DN_1,$$

$$\frac{dN_2}{dt} = \frac{1}{T_1} N_1 - \frac{1}{T_2} N_2 - DN_2$$

 N_1 - «молодые» клетки, не способные к делению N_2 — «старые» клетки, способные к делению

Скорость деления

$$T_2^{-1} = \omega = \omega_0 \left[a + bI^n \right]^{-1}$$

$$I = F(N_2)$$

I — концентрация ингибирующего метаболита

Система в безразмерных переменных

$$x = \frac{N_1}{N_0}, \quad y = \frac{N_2}{N_0}, \quad t' = \frac{t}{T_1}, \quad \sigma = \omega_0 T_1, \quad \delta = DT_1$$

$$\frac{dN_1}{dt} = \frac{2}{T_2} N_2 - \frac{1}{T_1} N_1 - DN_1,$$

$$\frac{dx}{dt} = \frac{2\sigma y}{1+y^n} - (\delta+1)x,$$

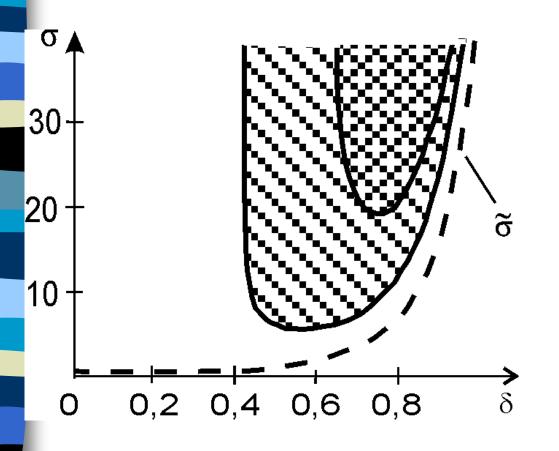
$$\frac{dy}{dt} = x - \delta y - \frac{\sigma y}{1+y^n}$$

Ингибиторы выделяются только старыми клетками

 $\frac{dN_2}{dt} = \frac{1}{T_1} N_1 - \frac{1}{T_2} N_2 - DN_2$

n — порядок ингибирования

Параметрические области неустойчивости стационарного ненулевого решения при n=2 (двойная штриховка) и n=3 (простая штриховка)



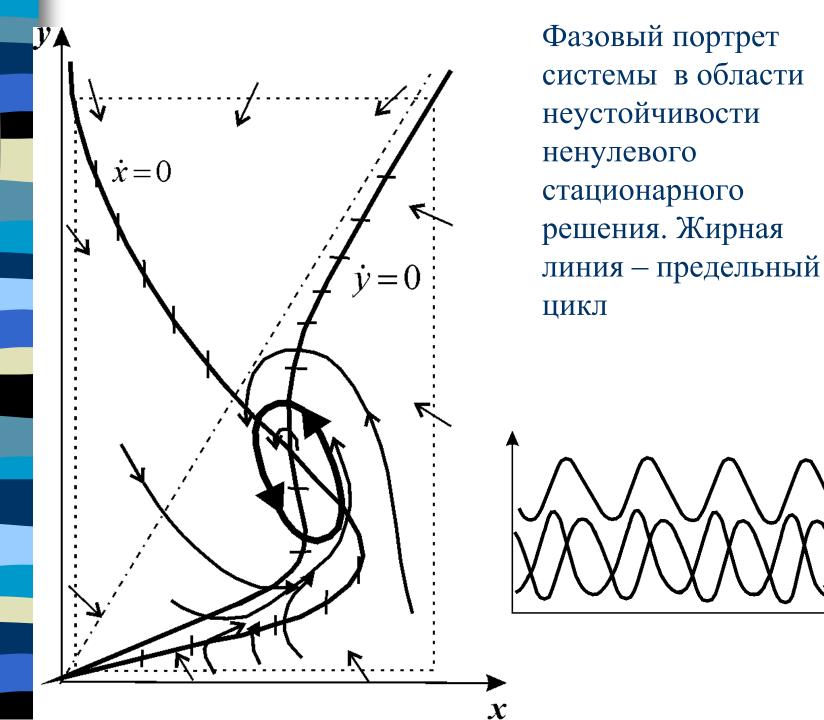
$$\overline{x} = 2\sigma\overline{y} \frac{1}{1-\delta},$$

$$\overline{y} = \frac{(1-\delta)}{(1+\delta)\sigma} - 1$$

$$\frac{dx}{dt} = -\frac{2\sigma y}{1+y^n} - (\delta+1)x,$$

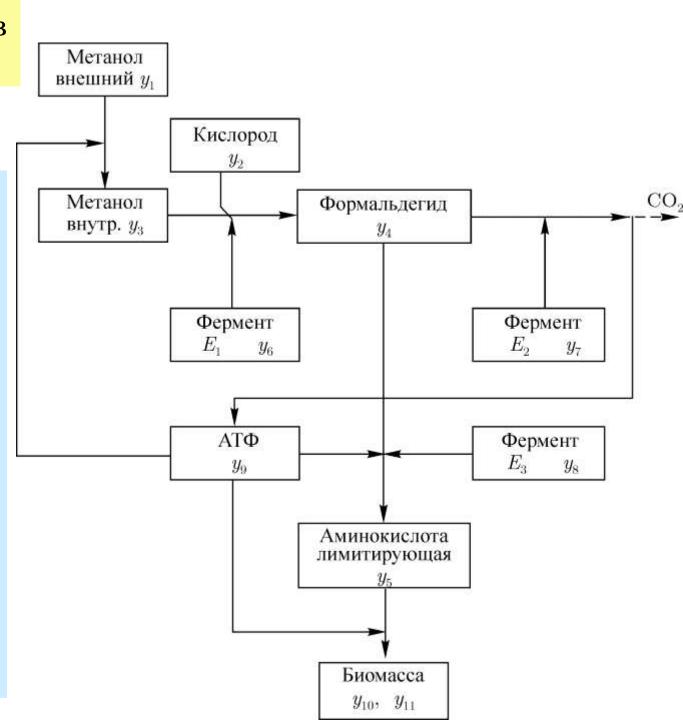
$$\frac{dy}{dt} = x - \delta y - \frac{\sigma y}{1+y^n}$$

$$n-2$$



Дроздов-Тихомиров Рахимова

Рост метанолусваивающих дрожжей в проточном культиваторе



Общая модель роста хемостатной культуры метанолусваивающих дрожжей

$$F_{1} \frac{F_{1}^{m} y_{2} y_{3}}{(y_{3} + k_{m3})(y_{2} + k_{m2})},$$

$$F_{2} \frac{F_{2}^{m} k_{i} y_{4} y_{2}}{(y_{4} + k_{m4})(y_{2} + k_{m2})(y_{9} + k_{i})},$$

$$F_{3} \frac{F_{3}^{m} y_{4} y_{9}}{(y_{4} + k_{m4})(y_{9} + k_{m9})}.$$

$$\frac{dy_1}{dt} = (y_1^0 - y_1)D - (f_i - f_e)y_{10},$$

$$\frac{dy_2}{dt} = (y_2^0 - y_2)D + k_0(C_H - y_2) - f_{02},$$

$$\frac{dy_3}{dt} = \left[F(f_i - f_e) - F_1y_6\right]/v_0,$$

$$\frac{dy_4}{dt} = (F_1y_6 - F_2y_7 - F_3y_8)/v_0,$$

$$\frac{dy_5}{dt} = (\gamma_1F_3y_8 - \gamma_2\omega)/v_0,$$

$$\frac{dy_6}{dt} = v_1\omega - y_6d_1,$$

$$\frac{dy_7}{dt} = v_2\omega - y_7d_2,$$

$$\frac{dy_8}{dt} = v_3\omega - y_8d_3,$$

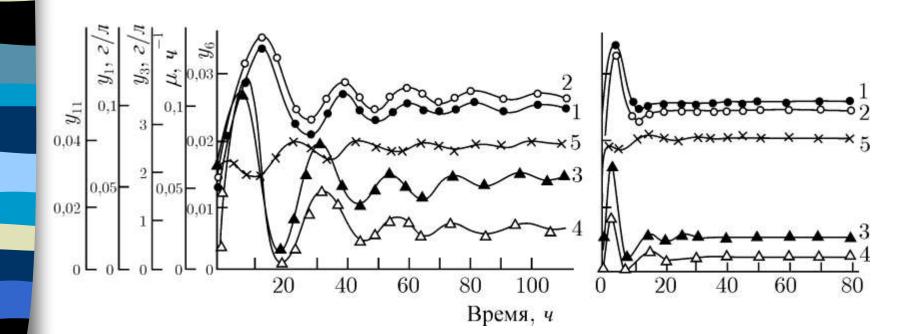
$$\frac{dy_9}{dt} = \left[\chi_1F_2y_7 - \chi_2F_3y_8 - \chi_3(f_i - f_e)\right]/v_0,$$

$$\frac{dy_{10}}{dt} = (\alpha - \beta)y_{10} - Dy_{10},$$

$$\frac{dy_{11}}{dt} = \alpha - y_{10} - Dy_{11}.$$

Кинетика изменений внутриклеточного уровня алкоголь-оксидазы уо (1), мгновенной удельной скорости роста (2), внутриклеточной у3

(3) и остаточной у1 (4) концентраций субстрата, суммарной биомассы (числа клеток у11 (5) в модели во время переходного процесса при изменении скачком скорости протока от D=0.05 ч-1 к D=0.1 ч-1 при значениях констант: a-C2=20 г2/м2; V10 = 0.01; Km3=0.1 г/л; 6-C2=20 г2/м2; V10 = 0.05; Km3=0.1 г/л



Модели E.coli

- Модель метаболической сети *E. coli* (2011)
- название модели: iJO1366
- Orth, JD et al. (2011) A comprehensive genome-scale reconstruction of Escherichia coli metabolism--2011. Mol. Syst. Biol. .
- 2251 реакций
- 1136 отдельных метаболитов,
- 1366 генов
- E. coli core model
- Центрального метаболизма *E. coli.*,
- 134 генов,
- 95 реакций,
- 72 метаболитов.

Soft для моделирования метаболических и регуляторных систем в клетках Systems Biology

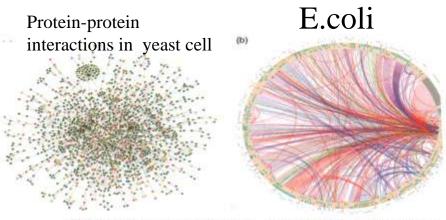


Figure 8.1 Biological networks. (a) Network of protein-protein interactions in yeast. From Jeong et al. [4]. (b) Regulatory interactions between E. soli genes. Genes shown as colored circle indicate autoregulation. Courtesy of segments associated with the structural description of the gene's main function.

Curve colors express the nature of relation (red: inhibition, blue: activation, green: dual regulation), and the traces around the S. Ortiz, L. Rico, and A. Valencia.

- CellDesigner http://www.celldesigner.org
- **COPASI** (Comples Pathway Simulator) http://www.copasi.org
- PyBios http://pybios.molgen.mpg.de
- SBML (Systems Biology Markup Language) http://www.sbml.org
- BioPAX http://www.biopax.org
- Systems Biology Grafical Notification http://www.sbgn.org
- Biomodels http://biomodels.net

Последствие действия радиации Соотношение живых и неживых

клеток

$$\frac{dx_{\mathcal{H}}}{dt} = \mu(S)x_{\mathcal{H}} - Dx_{\mathcal{H}}$$

$$\frac{dx_{\mathcal{H}}}{dt} = -Dx_{\mathcal{H}}$$

$$\frac{dS}{dt} = D(S_0 - S) - \alpha\mu(S)x_{\mathcal{H}}$$

$$x_{\mathcal{H}} + x_{\mathcal{H}} = x$$

Пусть $\mu = \mu_{max} = const$ (не зависит от концентрации субстрата)

 a_0 — соотношение живых и неживых клеток в начальный момент времени

$$\frac{x_{x}}{x} = \frac{a_0 e^{\mu_{\text{max}} t}}{1 + a_0 e^{\mu_{\text{max}} t}}$$